

## **РАСПРЕДЕЛЕНИЕ ПОЛИМОРФИЗМА ГЕНА МАТРИКСНОЙ МЕТАЛЛОПРОТЕИНАЗЫ-1 У ЖЕНЩИН С ПРЕЭКЛАМПСИЕЙ**

*Овчарова В.С.*

ФГАОУ ВПО Белгородский государственный национальный исследовательский университет, Белгород, Россия

Преэклампсия (ПЭ) – это осложнение беременности, проявляющееся полиорганной и полисистемной недостаточностью, в основе которой лежат расстройства функций центральной и вегетативной нервной, сердечно-сосудистой, эндокринной систем, а также нарушения микроциркуляции, обменных процессов, иммунного ответа и других функций организма. В настоящее время ПЭ является одной из самых актуальных проблем современного акушерства ввиду широкой распространенности, сложности этиопатогенеза, высокой частоты материнской и перинатальной заболеваемости и смертности.

На современном этапе, очевидно, что ПЭ является мультифакториальным осложнением беременности. В настоящее время показаны ассоциации с преэклампсией более 100 полиморфных вариантов генов. Наличие функционально неполноценных полиморфных вариантов генов, продукты которых вовлечены в развитие данной патологии, может рассматриваться как фактор риска возникновения ПЭ во время беременности.

Целью нашего исследования явилось изучение распределения полиморфизма гена матриксной металлопротеиназы-1 -1673 1G/2G MMP-1 (rs1799750) у женщин с преэклампсией.

Материалом для исследования послужила венозная кровь, полученная в объеме 8-9 мл из локтевой вены беременных женщин, забор которой производили в вакутейнеры. В исследуемые выборки включались индивидуумы русской национальности, являющиеся уроженками Центрально-Черноземного региона России и не имеющие родства между собой. Общий объем выборки составлял 1060 индивидуумов, из которых было 478 женщин с преэклампсией и 582 женщины с физиологическим течением беременности (контрольная группа). Анализ полиморфного варианта гена матриксной металлопротеиназы-1 проводили методом полимеразной цепной реакции синтеза ДНК в режиме реального времени (Real-time-PCR).

Полиморфизм -1673 1G/2G MMP-1 был проверен на предмет его соответствия распределению Харди-Вайнберга с использованием  $\chi^2$  теста. По изучаемому локусу частоты аллелей и генотипов распределились следующим образом: у пациенток с преэклампсией -1673 1G – 49,43%; -1673 2G – 50,57%; -1673 1G/1G – 25,40%; -1673 1G/2G – 48,06%; -1673 2G/2G – 26,54%; в контрольной группе: -1673 1G – 48,41%; -1673 2G – 51,59%; -1673 1G/1G – 24,96%; -1673 1G/2G – 46,90%; -1673 2G/2G – 28,14%; Статистически достоверных различий по концентрациям аллелей и генотипов в группе больных и контрольной группе выявлено не было ( $p > 0,05$ ).

Работа выполнена при поддержке гранта РФФИ «Изучение роли генетических полиморфизмов ферментов фолатного цикла и матриксных металлопротеиназ в формировании преэклампсии» (N16-34-00098).

### **ПОЛИМОРФИЗМ С-509Т ГЕНА TGFB1 АССОЦИИРОВАННЫЙ С РИСКОМ РАЗВИТИЯ ОБЛИТЕРИРУЮЩЕГО АТЕРОСКЛЕРОЗА АРТЕРИЙ НИЖНИХ КОНЕЧНОСТЕЙ**

*Орлова А.Ю., Артюшкова Е.Б., Суковатых Б.С., Бушуева О.Ю., Полоников А.В.*  
КГМУ, Курск, Российская Федерация

Проблема атеросклероза (АС) является одной из самых актуальных в современной медицине в связи с его широкой распространенностью, продолжительностью латентного периода течения и выраженностью неблагоприятных исходов. Согласно статистическим расчетам пропорция смертности в 1990 к 2020 году в мире от сердечно-сосудистых заболеваний (ССЗ), среди которых ведущее место занимает атеросклероз продолжает